

# Single Cell Flex e GEM-X Nuovi Gold Standard per l'analisi in Single Cell

Utilizza il potenziale delle tecnologie 10x Genomics per sbloccare nuove frontiere della conoscenza e massimizzare l'impatto dei tuoi studi.



## **FLESSIBILI**

Analisi su qualsiasi tipologia di campione (da sangue intero a campioni FFPE)



## **SENSIBILI**

Design degli assay pensato per aumentare il numero di geni rilevabili



# **RIPRODUCIBILI**

Multiplexing ed un workflow unico per standardizzare le analisi



# CONVENIENTI

Maggior numero di cellule e migliore gestione dei tempi e costi



# **CHROMIUM SINGLE CELL FLEX**

La soluzione di 10x Genomics **Single Cell Flex** offre la massima flessibilità, consentendo inoltre di analizzare campioni prima inaccessibili.

са «тта «ттос Деттоса бітоса етт СсСа СтТ «Са СтТ

# Fissa, raggruppa ed esegui in seguito

Protocolli di fissaggio robusti che permettono di pianificare l'esecuzione dei test, semplificare il trasporto dei campioni e ottimizzare il flusso di lavoro.

# Campioni freschi, congelati e fissati (anche FFPE).

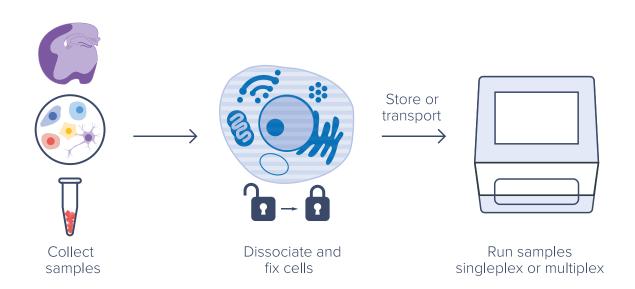
Oltre a tessuti freschi o congelati, nuclei e cellule selezionate tramite FACS, analizza facilmente tipologie fino ad ora non processabili come tessuti fissati FFPE.

#### Riduzione dei costi

Fino a 16 campioni per canale e analisi in multiplex con riduzione dei costi a campione fino al 65%.

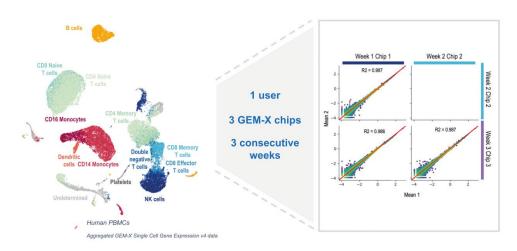
#### Massima flessibilità sperimentale

Da 1-128 campioni e fino a 1 milione di cellule per sessione sperimentale, contemporanea caratterizzazione delle proteine e possibilità di inserire sonde custom nell'analisi trascrittomica.



## GEM-X SINGLE CELL GENE EXPRESSION E IMMUNE PROFILING

La tecnologia **GEM-X** ottimizza sia i reagenti che il design dei chip per rendere le analisi di Single Cell Gene Expression (3') e Single Cell Immune Profiling (5') più sensibili, più robuste e più informative per tutti i progetti che necessitano campioni freschi o hanno un numero limitato di cellule.



# Sensibilità superiore

Cattura Fino a 2 volte più geni dalla stessa cellula rispetto alle chimiche precedenti, migliorando la sensibilità per trascritti rari, cellule fragili e cellule a basso contenuto di RNA.

#### Maggiore produttività

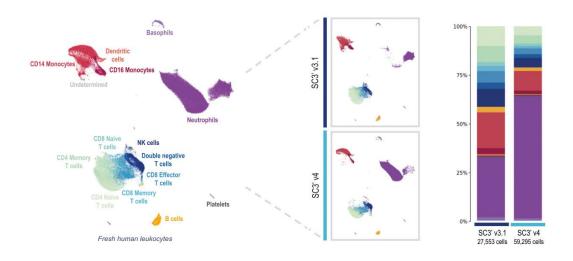
Analisi fino a 20.000 cellule per canale con una sensibile riduzione dei costi a cellula.

## Ottimizzazione del saggio e recupero del campione migliorato

Recovery fino all' 80% e tasso di doublet dimezzato (0,4% per 1.000 celle) per migliorare le analisi anche da campioni con ridotto numero di cellule.

## Riduzione dei tempi di corsa e dei failure

Grazie ad un design innovativo dei chip la corsa su Chromium dura solo 6 minuti (diminuendo lo stress cellulare e migliorando il recupero di cellule fragili), la presenza di un filtro integrato riduce la possibilità di clog event, migliorando l'efficienza delle analisi.



### Massima flessibilità sperimentale

Possibilità di ampliare l'analisi con le soluzioni 10x Genomics per l'analisi delle proteine di superfice con feature barcoding, per la caratterizzazione del repertorio immunitario V(D)J e gli screening CRISPR.

	Single Cell Flex	Single Cell Gene Expression GEM-X 3'	Single Cell Immune Profiling GEM-X 5'
Tipologia di analisi	Whole trascriptome; probe based	Whole trascriptome; RT based 3'	Whole trascriptome; RT based 5'
Specie	Uomo; Topo	Species agnostic	Species agnostic
Tipologia di campioni	Cellule, nuclei, tessuti freschi e congelati, FFPE	Cellule, nuclei, tessuti freschi e congelati	Cellule, nuclei, tessuti freschi e congelati
Compatibilità	Cell Surface Protein	Cell Surface Protein	Cell Surface Protein CRISPR Screening TCR/BCR sequencing
Numero di cellule input	ottimale 300,000 minimo 100,000	Da 800 a ~29,000	Da 800 a ~29,000
Numero di cellule analizzate per canale	500-10000 cellule/nuclei	500-20000 cellule/nuclei	500-20000 cellule/nuclei
Multiplexing	SI Fino a 16 campioni o 128000 cellule a canale	NO	NO
Multiplet rate	0.8% per 1000 cells	0,4% per 1000 cells	0,4% per 1000 cells

# CHROMIUM SINGLE CELL GENE EXPRESSION FLEX & CHROMIUM GEM-X

Due soluzioni e un'unica piattaforma per la generazione di librerie NGS per analisi Single Cell su larga scala



